

ChIP-Seq新技术：DAP-Seq 发掘转录因子结合位点应用于非模式生物

产品名称	ChIP-Seq新技术：DAP-Seq 发掘转录因子结合位点应用于非模式生物
公司名称	蓝景科信（北京）技术有限公司
价格	.00/个
规格参数	
公司地址	北京市海淀区高里掌路3号院15号楼2单元1层101
联系电话	400-6187099 15632249798

产品详情

还在为自己研究的非模式植物发愁吗？

还在为没有研究思路发愁吗？

还在为找不到ChIP-Seq的抗体发愁吗？

不要着急，蓝景科信来帮你

蓝景科信专注于表观遗传学研究，已经找到替代ChIP-Seq的好方法:DNA亲和纯化测序DAP-Seq。

已做材料：

拟南芥，烟草，水稻，小麦，藜麦，玉米，大豆，棉花，苜蓿，高粱，大麦草，百脉根，油菜，白菜，黄瓜，菜心，番茄，荔枝，香蕉，葡萄，苹果，柑橘，甜橙，桃，甜瓜，甘蔗，樱桃，草莓，杜梨，芍药，枣，核桃，毛果杨，胡杨，油松，毛白杨，山新杨，欧美杨，大青杨，84K杨，白桦，光皮桦，欧洲云杉，刚毛怪柳，麻疯树，金银花，丹参，木薯，地钱，腐霉，苔藓，糙皮侧耳，猪苓真菌，飞蝗，肺炎克雷伯菌，布鲁氏菌。

在表观遗传学研究中，寻找转录因子的调控位点是困扰科学家的难题，经典的ChIP-Seq技术存在很多弊端，主要的是抗体问题，对于非模式植物更难入手。与ChIP-Seq相比，DAP-Seq将蛋白质体外表达技术与高通量测序技术相结合，不需要针对每个转录因子制备特异性抗体，所以DAP-Seq具有快速、高通量、节约时间成本等显著优势。

DAP-Seq是研究非模式植物顺反组和表观组的有力技术。本实验室先后对水稻，小麦，玉米，苜蓿，大豆，百脉根、香蕉、毛果杨、胡杨等物种开展了实验，建立了标准的实验流程，具有28个家族，300多个转录因子的实战经验。

DAP-seq技术大大扩展和加深了科学家们研究的转录因子结合位点信息。我们的系统廉价并且可以扩展。它能够捕获全部转录结合位点，因此能获得完整的密码本。并且，DAP-Seq无需复杂和专门的实验设备，这种方法可用于所有模式或非模式植物。这为我们提供了一扇窗口，来发现调控序列中表观遗传变异影响植物性状的机制。