

# myBaits Expert Human Affinities Kit ; myBaits人类基因组SNPs富集试剂盒

产品名称	myBaits Expert Human Affinities Kit ; myBaits人类基因组SNPs富集试剂盒
公司名称	蓝景科信（北京）技术有限公司
价格	.00/件
规格参数	
公司地址	北京市海淀区高里掌路3号院15号楼2单元1层101
联系电话	400-6187099 15632249798

## 产品详情

myBaits Expert Human Affinities Kit（myBaits人类基因组SNPs富集试剂盒）

——捕获人类样本中的 SNPs 信息，化石、法医样本和降解 DNA 样本均适用。  
由遗传进化专家设计测试，位点富含有效信息，分辨率高。

myBaits Expert Human Affinities Kit用于人类基因组SNPs富集，该试剂盒与古人类种群遗传学领域的专家合作设计和开发，针对古代和现代人类种群中已知的2M以上多态位点设计，特异性捕获人类基因组文库中标志性的有效信息，提高人类种群和进化遗传学研究方法的分辨率。与全基因组DNA测序相比，该试剂盒大大节省测序和分析成本，在高度降解或污染的样本中尤为明显。

### 产品特点

专家设计 – 捕获位点由人类基因组学鉴定

- David Reich et al. (哈佛医学院)
- Pontus Skoglund (克里克研究院)
- Yassine Souilmi et al. (澳大利亚古DNA研究中心)

靶向位点多 – 靶向人类种群 2M 以上多态位点，富含标志性有效信息

样本类型广 – 配方经优化，现代/化石/降解/法医DNA样本均适用

应用灵活 – 兼容各种测序平台和建库方案，并可提供全流程服务

## 产品组成

myBaits Expert Human Affinities kit有三款panel供您选择：

该模块发表于2015年(Mathieson et al., Nature)，经典研究方法，已有超过99篇文献引用

### Prime 1240K模块

- 包含1.15M常染色体位点，49K X染色体位点，33K Y染色体位点
- 这些位点在众多现代和古代类群中都呈现多态性
- 有大量公开的研究数据：

Allen Ancient DNA Resource (AADR): Downloadable genotypes of present-day and ancient

DNA data | David Reich Lab (harvard.edu)

### Ancestral 850K模块

包含830K常染色体位点和20K X染色体位点

- 从Simons基因组多样性项目 (SGDP)中筛选的全新位点
- 用幽灵血系 (archaic humans) 作为外类群，来确认颠换突变 (Transversions)
- 减少现有人类SNPs方案中确认偏倚的影响，减少群体遗传学推论的偏倚
- 减少其他数据集普遍存在的系统性过度分化非裔群体和非裔群体的现象

### Y Chromosome 46K模块

- 从国际遗传家谱学会(ISOOG)开发的数据库中筛选的位点
- 包含全部目前已发现的Y染色体SNPs
- 提高群体内部和群体之间父系关系的分辨率

### Mito Trio模块

- 探针覆盖了三个不同的线粒体基因组:
  - Revised Cambridge Reference Sequence(rCRS)

- Reconstructed Sapiens Reference Sequence(RSRS)
- Neanderthal(Vindija, Green et al. 2008, Cell)
- 比例恰当，减少过度富集

产品列表：